



ANALYSES DE GENETIQUE MOLECULAIRE DES TUMEURS SOLIDES

Afin d'aider à la prise en charge du patient, je vous demande de bien vouloir faire parvenir à la plateforme de biologie moléculaire des tumeurs solides du CHU de Lille le bloc tumoral représentatif de la tumeur du patient ci-dessous. La plateforme s'engage à vous restituer les blocs sitôt les analyses effectuées.

Merci d'adresser les blocs à l'attention de l'Institut de Pathologie - Centre de Biologie Pathologie Génétique - CHU de Lille- Bd Jules Leclerc CS 70001 - 59037 Lille Cedex

<p><u>Identification du patient (ou étiquette) :</u></p> <p>Nom : Prénom :</p> <p>Nom de naissance :</p> <p>Date de naissance : <input type="checkbox"/> F <input type="checkbox"/> M</p>	<p><u>Médecin prescripteur :</u></p> <p>Nom : Service :</p> <p>Etablissement à facturer :</p> <p>Date de la demande : Signature :</p>
<p><u>Renseignements cliniques :</u> Urgent <input type="checkbox"/> oui <input type="checkbox"/> non Si urgent, faxer au :</p> <p>Cancer primitif : <input type="checkbox"/> pulmonaire <input type="checkbox"/> colorectal <input type="checkbox"/> mélanome <input type="checkbox"/> gliome <input type="checkbox"/> GIST <input type="checkbox"/> autre (préciser)</p> <p>Stade : <input type="checkbox"/> localisé <input type="checkbox"/> métastatique <input type="checkbox"/> impasse thérapeutique</p> <p>Traitement(s) actuel(s) et antérieur(s) : _____</p> <p>Recherche de mutations de résistance : <input type="checkbox"/> oui <input type="checkbox"/> non</p> <p>Tabagisme : <input type="checkbox"/> non-fumeur <input type="checkbox"/> tabagisme passif <input type="checkbox"/> fumeur actif <input type="checkbox"/> ancien fumeur nombre de PA : _____</p> <p>Si contexte clinique particulier (ex : ATCD de cancer), préciser : _____</p>	
<p><u>Analyses demandées :</u></p> <p><input type="checkbox"/> Panel NGS (41 gènes dont mutations/amplifications EGFR/BRAF/KRAS/NRAS/MET/KIT/PDGFR/IDH1/POLE) (N452)</p> <p><input type="checkbox"/> Panel NGS « Pancréas » (41 gènes + BRCA1/BRCA2) (N453)</p> <p><input type="checkbox"/> Analyse des gènes BRCA1/BRCA2 seuls par panel NGS (N452)</p> <p><input type="checkbox"/> Recherche de mutations KRAS/NRAS/BRAF (ajout du MSI si cancer colorectal et âge du patient < 60 ans) (B1475+B813)</p> <p><input type="checkbox"/> Recherche ciblée de mutations du gène EGFR (B950)</p> <p><input type="checkbox"/> Translocations ALK (FISH – joindre le résultat d'IHC) (A070)</p> <p><input type="checkbox"/> Translocations ROS1 (FISH- joindre le résultat d'IHC) <input type="checkbox"/> amplifications MET (IHC +/- FISH) (A070)</p> <p><input type="checkbox"/> Panel NGS large couvrant 638 gènes, incluant score TMB (OncoDEEP®) (N453 ou N454)</p> <p><input type="checkbox"/> Recherche de transcrits de fusion par technique NGS (Archer FusionPlex®) (N452 ou N453)</p> <p><input type="checkbox"/> Etude de méthylation du gène MGMT (N532)</p> <p><input type="checkbox"/> Profil chromosomique par caryotype moléculaire (CGH-array) (N502 ou B034)</p> <p><input type="checkbox"/> Recherche d'instabilité microsatellitaire (MSI) : <input type="checkbox"/> suspicion de syndrome de Lynch (N500) <input type="checkbox"/> aide à la décision thérapeutique</p> <p><input type="checkbox"/> Recherche d'une hyperméthylation du promoteur du gène MLH (N533) (sera ajoutée en cas de MSI avec perte de MLH1 et/ou PMS2)</p> <p><i>La facturation sera effectuée en fonction des règles applicables au Référentiel des actes Innovants Hors Nomenclature – RIHN et à celles de la Nomenclature des Actes de Biologie Médicale.</i></p>	
<p><u>Pathologiste et informations concernant le prélèvement</u> (merci de nous fournir blocs et compte-rendu anatomo-pathologique)</p> <p>Nom du pathologiste : Etablissement : Date d'envoi : -- / -- / --</p> <p>Blocs transmis : <input type="checkbox"/> paraffine (nombre : - références :)</p> <p><input type="checkbox"/> Autre (préciser) :</p> <p>% de cellules tumorales : % de nécrose : Commentaires éventuels : _____</p>	